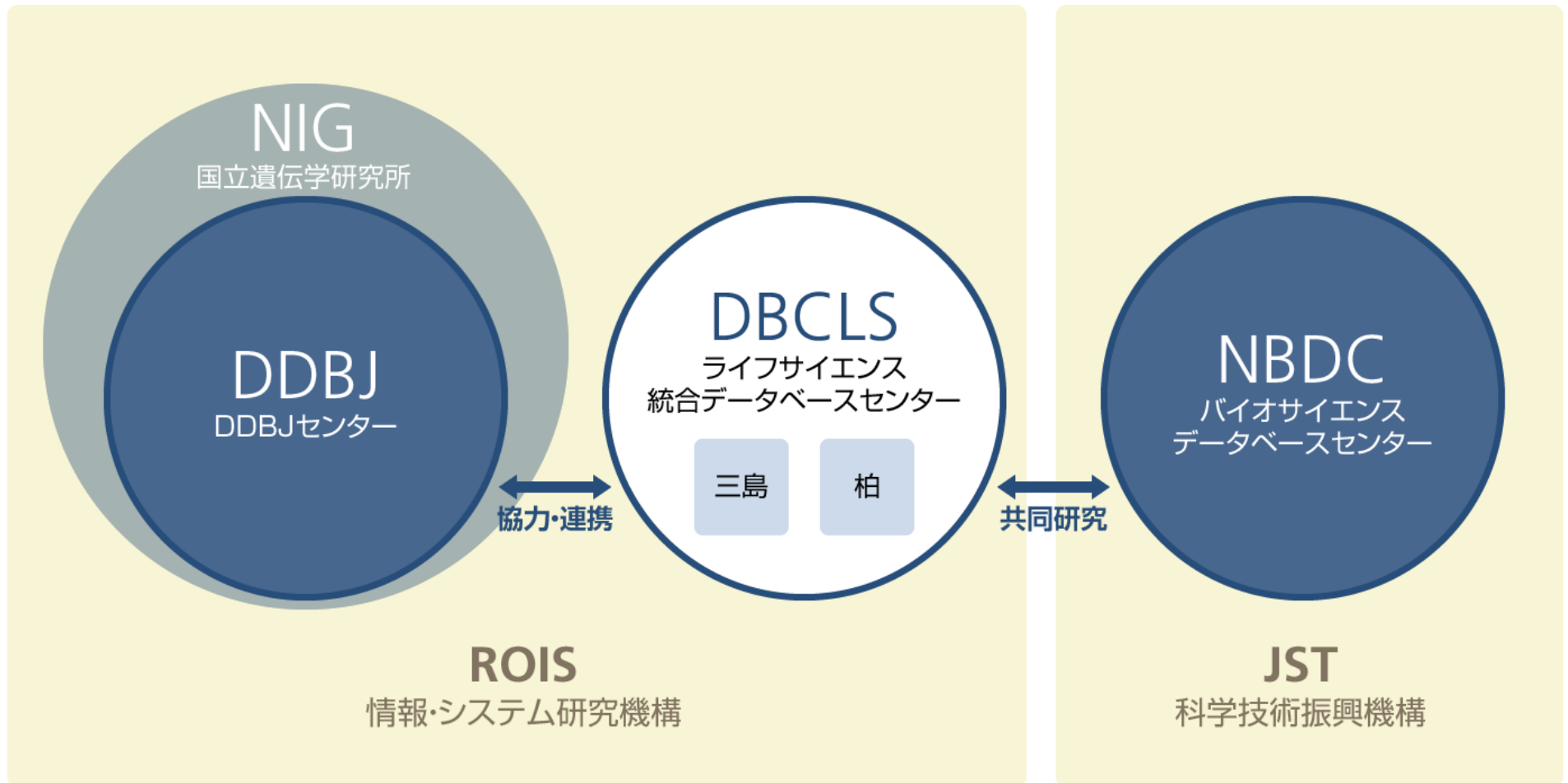


生命科学分野の動画コンテンツに登録したDOIの活用

大学共同利用機関法人 情報・システム研究機構 データサイエンス共同利用基盤施設
ライフサイエンス統合データベースセンター (DBCLS)

小野 浩雅



「統合TV」は、生命科学分野の有用なデータベースやツールの使い方を動画で紹介するウェブサイトです。

目的別に検索

- AJACS講習会資料
- ゲノム・核酸 配列解析
- タンパク質 配列・構造解析
- 発現制御解析・可視化
- 文献・辞書・プログラミング
- 著名データベース
- 学会講演・講習会
- 自由に使える画像を探す

関連するタグから検索

- ゲノム (190) 遺伝子 (312)
- タンパク質 (140)
- 配列解析 (171)
- 発現解析 (248) NGS (172)
- 文献検索 (160)
- 情報収集 (93)
- 環境設定 (107)
- DBCLS (178) English (169)
- ウェブツール (174)
- ソフトウェア (64)
- データベース (287)
- 講演 (518) 実習 (301)
- NCBI (53) GEO (18)
- UCSC (16) EBI (10)

Q 全番組のリストから、調べたいDBやウェブツールに関するキーワードで検索! (全 1211 件)

番組のタイトルや画像をクリックすると番組の再生ページへ移動します。 [リクエストはこちら](#)。

表示件数を選ぶ 検索窓にキーワードを入力すると、入力の数ごとに即座に候補の番組が取り込まれます

NCBI BLASTの使い方 ~基本編~ 2017

NCBI BLAST(えぬしーびーあいらすとと発音します)は、問い合わせ配列に類似した配列をデータベース中から検索するツールです。BLASTの名称はBasic Local Alignment Search Toolの頭文字に由来しており、配列解析には欠かせない、基本的なツールです。塩基配列を問い合わせ配列として、nr/ntデータベース (冗長性を排した塩基配列データベース) に対して検索を行い、機能を推定する使い方を説明します。もちろん、塩基配列だけではなく、アミノ酸配列に対しても使えます。



Extending the interoperability of tagtog and PubAnnotation

Biomedical Linked Annotation Hackathon (BLAH) 3 was held in National Institute of Informatics in Tokyo, Japan. On the first day of the Hackathon (16. Jan.), public symposium of the BLAH 3 was held. In this talk, Juan Miguel Cejuela makes a presentation entitled "Extending the interoperability of tagtog and PubAnnotation". (8:04) Here is the proposal of this talk. All presentations are listed in the YouTube list.



Building a cost-effective gold standard set for enriching PubAnnotation

Biomedical Linked Annotation Hackathon (BLAH) 3 was held in National Institute of Informatics in Tokyo, Japan. On the first day of the Hackathon (16. Jan.), public symposium of the BLAH 3 was held. In this talk, Dongseop Kwon makes a presentation entitled "Building a cost-effective gold standard set for enriching PubAnnotation". (10:36) Here are the slides of this talk. All presentations are listed in the YouTube list.



BioCreative 2017 PM task: finding mutations affecting protein interactions for precision medicine

Biomedical Linked Annotation Hackathon (BLAH) 3 was held in National Institute of Informatics in Tokyo, Japan. On the first day of the Hackathon (16. Jan.), public symposium of the BLAH 3 was held. In this talk, Zhiyong Lu makes a presentation entitled "BioCreative 2017 PM task: finding mutations affecting protein interactions for precision medicine". (10:40) All presentations are listed in the YouTube list.



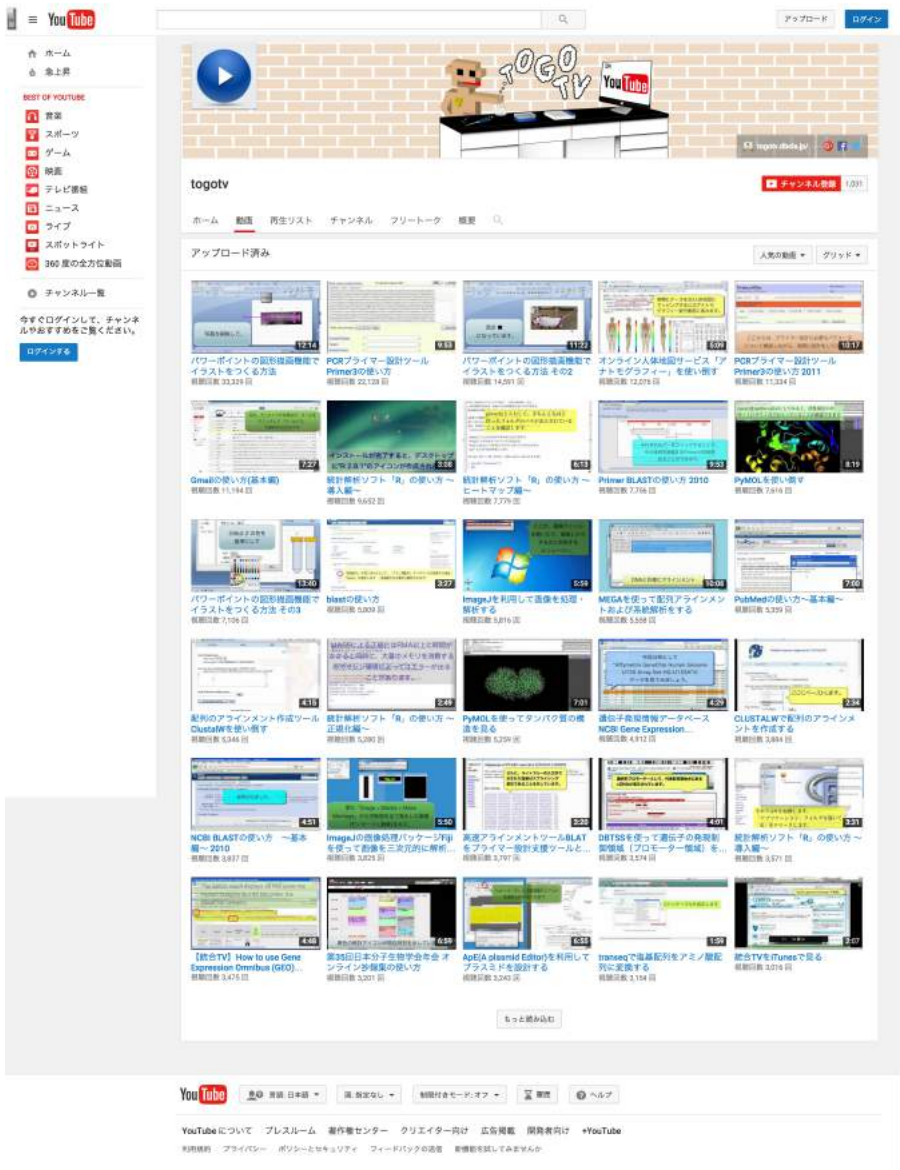
生命科学分野の有用なDBやツールの使い方を 動画で手取り足取り解説!!

研究を進めるために最低限知っておくべきバイオ系DBを網羅

さらに、コピペでできるバイオインフォマティクスから中級者・上級者向けのコマンドライン操作まで徹底解説

統合TV YouTube 支店

<https://www.youtube.com/user/togotv>



togotv
作成日: 2007/08/08 • 動画: 1,287
チャンネル

2007/08/08 ~ 2017/02/28

▲ このレポートのデータに関する注意事項

*平均再生率 (%)、*平均視聴時間、*総再生時間 (時間) のデータは 2012年9月1日 以降に限り使用できます。

総再生時間 (時間) **38,063*** 視聴回数 **749,933**

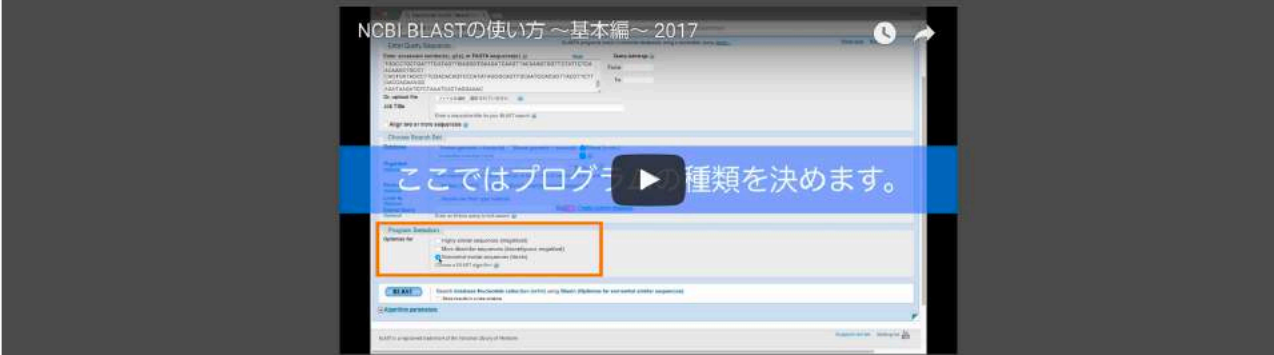
統計情報の比較 月別 増加率を表示



* 選択範囲に 1 か月に満たない期間が含まれています。

動画	総再生時間 (時間) * ↓	視聴回数	平均視聴時間*	平均再生率 (%) ↑
パワーポイントの図形描画機能でイラストを...	2,518 (6.6%)	41,066 (5.5%)	3:59	33%
パワーポイントの図形描画機能でイラストを...	1,158 (3.0%)	17,174 (2.3%)	4:26	39%
PCRプライマー設計ツール Primer3の使い方 2...	830 (2.2%)	14,361 (1.9%)	4:51	47%
Gmailの使い方(基本編)	759 (2.0%)	16,554 (2.2%)	2:45	37%
[NGSハンズオン] UNIX/Linuxとスクリプト...	713 (1.9%)	2,764 (0.4%)	15:29	5.2%

2017-03-21 NCBI BLASTの使い方 ~基本編~ 2017



NCBI BLASTの使い方 ~基本編~ 2017

ここではプログラム種類を決めます。

YouTube版を視聴できない方はオリジナル版ファイル(mov形式)をダウンロードして、ご覧ください。

NCBI BLAST(えめしーびーあいらすとと発音します)は、問い合わせ配列に類似した配列をデータベース中から検索するツールです。BLASTの名称はBasic Local Alignment Search Toolの頭文字に由来しており、配列解析には欠かせない、基本的なツールです。塩基配列を問い合わせ配列として、nr/ntデータベース(冗長性を排した塩基配列データベース)に対して検索を行い、機能を推定する使い方を説明します。もちろん、塩基配列だけでなく、アミノ酸配列に対しても使えます。

▶ 見どころダイジェスト

1. Nucleotide BLAST を実行する (1:28)
2. BLAST検索の結果 (2:50)
3. スコアの見方 (3:41)

この動画を引用する際はDOIをご利用ください。 DOI: 10.7875/togotv.2017.023

この記事は、クリエイティブ・コモンズ 表示 ライセンスの下で利用可能です。 利用にあたっては、下記のクレジットを必ず表示してください。
© 2016 DBCLS 統合TV / CC-BY-4.0

DOI: 10.7875/togotv.2017.023

こちらの番組もオススメ

- 2010-04-15 NCBI BLASTの使い方 基本編 2010
- 2008-09-26 遺伝子のRefSeq IDを調べる
- 2016-04-04 SequenceServerを使って自分のPCで簡単BLAST検索
- 2015-07-14 HomoloGeneを用いた相同な遺伝子の検索
- 2015-04-13 MAFFTを使ってマルチプルアラインメントを行う

キーワードをクリックすると関係する動画・講習会資料・新着論文レビューが表示されます

塩基配列 配列解析 NCBI アミノ酸

発表スライドやポスターの作成に便利なフリー画像もあります



講習会のテキストと動画を同時に閲覧できます

http://togotv.dbcls.jp/ja/ajacs_text.html

「統合TV」は、生命科学分野の有用なデータベースやツールの使い方を動画で紹介するウェブサイトです。

目的別に検索

AJACS講習会資料

- ゲノム・核酸配列解析
- タンパク質 配列・構造解析
- 発現制御解析・可視化
- 文献・辞書・プログラミング
- 著名データベース
- 学会講演・講習会

遺伝子発現DB・ウェブツールの使い方 応用・実践編

イベント・講習会の情報

- 開催日時: 2015-05-21
- 講習会名: AJACS御茶ノ水
- 講師: 沖 嘉尚 (日本大学 生物資源学部 応用生物科学科 動物生体機構学研究室)
- 会場: 東京医科歯科大学 M&Dタワー3F 図書館内研修室
- このテキストを引用する際はDOIをご利用ください。DOI: 10.7875/ajacs.2015.007
- この講習に関連するタグ: 実習 AJACS 発現解析 データベース ウェブツール

DOI: 10.7875/ajacs.2015.007



AJACS御茶ノ水 遺伝子発現DB・ウェブツールの使い方 応用・実践編

日本大学生物資源科学部
動物生体機構学研究室
沖 嘉尚 oki@brs.nihon-u.ac.jp
2015年5月21日 AJACS御茶ノ水@東京医科歯科大学

概要

本講習は、誰でも自由に使うことができる公共データベースからマイクロアレイ解析のサンプルデータを検索し、ウェブツールを活用して発現差のある遺伝子群を抽出する方法について学びます。また、得られた数百~数千におよぶ遺伝子群について、生物学的な解釈をする方法とその結果の考察を実践します。

講習の流れ

今回の講習では、コンピュータを使って以下の内容について説明します。

- 公共の遺伝子発現データベース NCBI Gene Expression Omnibus(GEO)の使い方
 - NCBI GEO
 - 【実習1】 GEOを使って、興味あるマイクロアレイの実験データセットを検索する
- 遺伝子発現データ解析ツール GEO2R の使い方
 - NCBI GEO2R
 - 【実習2】 GEO2Rを使って、GEOに登録されているマイクロアレイデータを解析する
- 遺伝子群の機能解析ツール DAVID の使い方
 - DAVID
 - 【実習3】 DAVIDを使って、解析された遺伝子群の機能解析を実行する

生命科学分野の静止画素材もあります

<http://togotv.dbcls.jp/ja/pics.html>



- だれでも自由に閲覧・利用可能な、ライフサイエンス分野の画像・イラスト集
- モデル生物、実験器具、実験装置、模式図、次世代シーケンサー、細胞、顕微鏡など、研究発表のスライド作成や資料作成等に利用可能
- クレジットの明記で、転載・改変・再利用 OK
- Wikimedia Commons へのアップロード

JaLCにおけるXMLファイルによる一括登録

<https://japanlinkcenter.org>

名称: ライフサイエンス 領域融合レビュー DBCLS00

ログアウト

ヘルプ 日本語

登録情報指定

TOP > 登録情報指定

▼ 登録情報履歴

登録実行日時	ID	登録結果	情報名	提供元
2017/03/14 16:13:25	DBCLS00	正常 全:1件(正常:1件 エラー:0件)	e-learning情報	SI/DBCLS
2017/03/13 14:11:19	DBCLS00	正常 全:17件(正常:17件 エラー:0件)	e-learning情報	SI/DBCLS
2017/03/03 11:10:08	DBCLS00	正常 全:1件(正常:1件 エラー:0件)	e-learning情報	SI/DBCLS

■ XMLファイルによる一括登録

登録情報の種別: **e-learning情報**

提供元: ライフサイエンス 領域融合データベースセンター

データ処理方法: バッチ(結果は電子メールとなります)

エラー処理方法: 継続 中止

リクエスト種別: 登録・更新 削除

XMLファイル指定: ファイルを選択して選択されていません

登録 クリア 前画面へ戻る

```
1 <?xml version="1.0" encoding="UTF-8"?>
2 <root>
3   <head>
4     <error_process>0</error_process><!-- 脱却 -->
5     <result_method>0</result_method><!-- ブラウザ -->
6     <content_classification>04</content_classification><!-- e-learning -->
7     <request_kind>01</request_kind><!-- 登録・更新 -->
8   </head>
9   <body>
10    <site_id>SI/DBCLS</site_id>
11    <content sequence="1">
12      <doi>10.7875/togotv.2017.023</doi>
13      <url>http://togotv.dbcls.jp/ja/20170321.html</url>
14      <title_list>
15        <titles lang="ja">
16          <title>NCBI BLASTの使い方 ~基本編~ 2017</title>
17        </titles>
18      </title_list>
19      <creator_list>
20        <creator sequence="1" type="institute">
21          <names lang="ja">
22            <first_name>DBCLS</first_name>
23          </names>
24          <affiliation>
25            <affiliation_name sequence="1" lang="ja">情報・システム研究機構</affiliation_name>
26          </affiliation>
27        </creator>
28      </creator_list>
29      <publication_date>
30        <year>2017</year>
31        <month>03</month>
32        <day>21</day>
33      </publication_date>
34      <publisher>
35        <publisher_name lang="ja">DBCLS</publisher_name>
36        <location>JPN</location>
37      </publisher>
38      <relation_list>
39        <related_content type="URL"
40          relation="another_format">https://youtu.be/pSmA0sfx_Mk</related_content>
41      </relation_list>
42      <content_language>ja</content_language>
43      <description type="Abstract" lang="ja">NCBI BLAST(えぬしーびーあいプラスとと発音します)は、問い合わせ配列に類似した配列をデータベース中から検索するツールです。BLASTの名称はBasic Local Alignment Search Toolの頭文字に由来しており、配列解析には欠かせない、基本的なツールです。塩基配列を問い合わせ配列として、nr/ntデータベース(冗長性を排した塩基配列データベース)に対して検索を行い、機能を推定する使い方を説明します。もちろん、塩基配列だけではなく、アミノ酸配列に対しても使えます。</description>
44      <learning_resource_type>lecture</learning_resource_type>
45    </content>
46  </body>
47 </root>
```


動画コンテンツの利用者

論文などの対外発表時に学習用動画教材を引用できる

動画コンテンツの作成者

記名と組み合わせることでコンテンツ作成の動機づけ